PCT/FR/2004/02050



FR04/2050

REC'D 0 5. NOV 2004

WIPO PCT

BREVET D'INVENTION

CERTIFICAT D'UTILITÉ - CERTIFICAT D'ADDITION

COPIE OFFICIELLE

Le Directeur général de l'Institut national de la propriété industrielle certifie que le document ci-annexé est la copie certifiée conforme d'une demande de titre de propriété industrielle déposée à l'Institut.

Fait à Paris, le ______

Pour le Directeur général de l'Institut national de la propriété industrielle Le Chef du Département des brevets

Martine PLANCHE

DOCUMENT DE PRIORITÉ

PRÉSENTÉ OU TRANSMIS CONFORMÉMENT À LA RÈGLE 17.1.a) OU b)

> INSTITUT National de La propriete Industrielle

SIEGE 26 bis, rue de Saint-Petersbourg 75800 PARIS cedex 08 Téléphone: 33 (0)1 53 04 53 04 Télécople: 33 (0)1 53 04 45 23

() manager ()



CERTIFICAT D'UTILITÉ

BREVET D'INVENTION



Code de la propriété intellectuelle - Livre VI

REQUÊTE EN DÉLIVRANCE 1/2

26 bis. rue de Saint Pétersbourg 75800 Paris Codex 08 Téléphone : 01 53 04 53 04 Télécopie : 01 42 94 86 54

	Cet imprimé est à remplir lisiblement à l'encre noire DB 540 W /260899					
REMISE DES PIÈCES DATE 1 AOUT 2003 LIEU 75 INPI PARIS	NOM ET ADRESSE DU DEMANDEUR OU DU MANDATAIRE À QUI LA CORRESPONDANCE DOIT ÊTRE ADRESSÉE					
N° D'ENREGISTREMENT NATIONAL ATTRIBUÉ PAR L'INPI DATE DE DÉPÔT ATTRIBUÉE 1 A DUT	F-75009 Paris					
PAR L'INPI - 1 AOUT	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·					
Vos références pour ce dossier (facultatif) IFB 03 AW CNR GI	og ·					
Confirmation d'un dépôt par télécopie	☐ N° attribué par l'INPI à la télécopie					
2 NATURE DE LA DEMANDE	Cochez l'une des 4 cases suivantes					
Demande de brevet	⊠ ·					
Demande de certificat d'utilité						
Demande divisionnaire						
Demande de brevet initiale	N° Date ! / / :					
ou demande de certificat d'utilité initiale	N° Date / /					
Transformation d'une demande de						
brevet européen <i>Demande de brevet initiale</i>	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·					
4 DÉCLARATION DE PRIORITÉ OU REQUÊTE DU BÉNÉFICE DE LA DATE DE DÉPÔT D'UNE DEMANDE ANTÉRIEURE FRANÇAISE	Pays ou organisation Date / / N° Pays ou organisation Date / / N° Pays ou organisation Date / N°					
	S'il y a d'autres priorités, cochez la case et utilisez l'imprimé «Suite»					
5 DEMANDEUR	S'il y a d'autres demandeurs, cochez la case et utilisez l'imprimé «Suite»					
Nom ou dénomination sociale	CENTRE NATIONAL DE LA RECHERCHE SCIENTIFIQUE					
Prénoms	·					
Forme juridique						
N° SIREN						
Code APE-NAF	· · · · · ·					
Adresse	3, rue Michel-Ange					
Code postal et ville	F-75794 PARIS CEDEX 16					
Pays .	FRANCE					
Nationalité N° de téléphone (facultatif)	FRANCAISE					
N° de télécopie (facultatif)						
Adresse électronique (facultatif)						



BREVET D'INVENTION CERTIFICAT D'UTILITÉ



REQUÊTE EN DÉLIVRANCE 2/2

DATE LIEU	75 INP	OUT 2003 PI PARIS						
	NREGISTREMENT IAL ATTRIBUÉ PAR	UINPI 0309506			DB 540 W /260899			
Vos i	•	our ce dossier :	IFB 03 AW CN	IR GIOG				
6	MANDATAIR	Ξ						
	Nom		GROSSET-F	GROSSET-FOURNIER				
	Prénom							
	Cabinet ou So	ociété	GROSSÈT-F	OURNIER & DEM	АСНУ			
	N ^o de pouvoir de lien contra	permanent et/ou ctuel			·			
	Adresse	Rue	54, rue Saint-	Lazare				
		Code postal et ville	75009 PA	RIS				
	N° de télépho		01.42.81.09.5	3				
2	N° de télécop		_01.42.81.08.71					
	Adresse élect	ronique (facultatif)			· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·			
	INVENTEUR	(S)						
	Les inventeur	s sont les demandeurs	□ Oui ☑ Non Dans ce cas fournir une désignation d'inventeur(s) séparée					
8.	RAPPORT D	E RECHERCHE	Uniquement pour une demande de brevet (y compris division et transformation)					
		Établissement immédiat ou établissement différé	⊠					
	Paiement éch	nelonné de la redevance	Paiement en der ☐ Oui ☐ Non	ux versements, uniquem	ent pour les personnes physiques			
9	RÉDUCTION	DU TAUX	Uniquement pour les personnes physiques					
	DES REDEV	ANCES	Requise pour la première fois pour cette invention (joindre un avis de non-imposition)					
			Requise antérieurement à ce dépôt (joindre une copie de la décision d'admission pour cette invention ou indiquer sa référence):					
L								
		utilisé l'imprimé «Suite», nombre de pages jointes						
<u></u>		_ 1 bs	,	······································				
10	SIGNATURE OU DU MAN	DU DEMANDEUR Calker	nne al GROSSET-I	TOTIRNIE'P	VISA DE LA PRÉFECTURE OU DE L'INPI			
1		alité du signataire) Manda	1		OO DE L'IMPI			
	, or que	422.5/]	, ,		L. MARIELLO			

La loi n°78-17 du 6 janvier 1978 relative à l'informatique, aux fichiers et aux libertés s'applique aux réponses faites à ce formulaire. Elle garantit un droit d'accès et de rectification pour les données vous concernant auprès de l'INPI.



BREVET D'INVENTION

CERTIFICAT D'UTILITÉ



Code de la propriété intellectuelle - Livre VI

26 bis, rue de Saint Pétersbourg 75800 Paris Cedex 08 Téléphone : 01 53 04 53 04 Télécopie : 01 42 94 86 54

REQUÊTE EN DÉLIVRANCE Page suite N° . 1. / .1. Réservé à l'INPI

1 (F) I	UT 2003 PARIS				
N° D'ENREGISTREMENT		_			
NATIONAL ATTRIBUÉ PAR	UINPI 03095Q1	6	Cet imprimé est à remplir lisib	lement à l'encre noire	OB 829 W /260899
Vos références p	our ce dossier (facultatif)	IFB 03 AW	CNR GIOG		
DÉCLARATIO		Pays ou organisation Date / /	i No		
OU REQUÊTE	DU BÉNÉFICE DE	Pays ou organisation			
_	DÉPÔT D'UNE	Date! / /	N°		
DEMANDE AN	NTÉRIEURE FRANÇAISE	Pays ou organisation Date / /	N°		
E DEMANDEUR					
Nom ou dénon	nination sociale	INSTITUT NATION	NAL DE LA SANTE ET DE LA R	ECHERCHE MEDICALE (INSERM)
Prénoms					
Forme juridiqu	е			,	
N° SIREN				,	
Code APE-NAF	:	1			
Adresse	Rue	101, rue de To			
	Code postal et ville	France	ARIS CEDEX 13		
Pays		Français		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	- <u>-</u>
Nationalité		Prançais			• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •
N° de télépho	ne (<i>facultatif</i>)			50 j-	
N° de télécopi	e (facultalif)			·	
Adresse électr	onique (<i>Jacullatif</i>)				
5 DEMANDEUR	₹	_	<u> </u>		
Nom ou dénor	mination sociale				
Prénoms					
Forme juridiqu	ie				
N° SIREN					
Code APE-NAI	F	1 1			
Adresse	Rue				
	Code postal et ville				
Pays	<u></u>				
Nationalité					
N° de télépho	ne (facultatif)				
N° de télécop	ie <i>ljucultatif</i>)				
Adresse électi	ronique (<i>fucultatif</i>)				
OU DU MAI	DU DEMANDEUR NDATAIRE Calfu lité du signataire)	erine Chantal G Mandatai 422.5/PP.1	ROSSET-FOURNIER	visa de la préf ou de l'inf L. MARIELL	PI

10

15

20

25

30

NOUVEL AGENT ANTI-ANGIOGÉNIQUE ET SON UTILISATION, NOTAMMENT DANS LE CADRE DU TRAITEMENT DES CANCERS

La présente invention a pour objet un nouvel agent anti-angiogénique, ainsi que son utilisation, notamment dans le cadre du traitement des cancers.

L'angiogenèse est un processus de croissance de nouveaux capillaires sanguins à partir de vaisseaux préexistants. Trois phénomènes particuliers sont notamment à la base de ce processus: la prolifération, la migration et la différenciation (la tubulogenèse) des cellules endothéliales. L'angiogenèse est activée par certains facteurs de croissances, dits facteurs angiogéniques, tels que le VEGF (Vascular Endothelial Growth Factor, facteur de croissance endothélial vasculaire), le FGF-1 (Fibroblast Growth Factor 1, facteur de croissance des fibroblastes 1) ou le FGF-2 (Fibroblast Growth Factor 2, facteur de croissance des fibroblastes 2).

En temps normal, l'angiogenèse est essentiellement restreinte au système reproducteur femelle et à la cicatrisation des plaies. Cependant, l'angiogenèse est également impliquée dans de nombreux cas pathologiques, tels que la rétinopathie diabétique, le psoriasis, la polyarthrite rhumatoïde, la dégénérescence maculaire liée à l'âge, et les cancers. En effet, dans ce dernier cas il a été montré que la croissance tumorale était grandement favorisée par l'apparition au sein de ces tumeurs d'une néovascularisation résultant en particulier de la sécrétion par les tumeurs de facteurs angiogéniques.

De nombreuses tentatives de traitements thérapeutiques basées sur l'utilisation de protéines anti-angiogéniques sont en cours. Parmi ces composés, l'un des plus prometteur est l'endostatine (O'Reilly et al., 1997), qui est actuellement en essais cliniques de phase I (Herbst et al., 2002). L'endostatine est une protéine de 20 kDa correspondant à un fragment du collagène XVIII. Le mécanisme d'action de l'endostatine reste inconnu.

Certaines tentatives thérapeutiques reposent sur l'élucidation de mécanismes d'action connus. Ainsi les cellules endothéliales en prolifération expriment l'intégrine avb3 alors que les cellules endothéliales quiescentes ne l'expriment pas (Brooks, 1994). Cette observation a permis de mettre au point des inhibiteurs de cette molécule actuellement en cours d'essais cliniques.

۲.

5

10

15

20

25

30

Parmi tous les acteurs moléculaires impliqués dans l'activation de l'angiogenèse, seul le VEGF a fait la preuve de son efficacité dans pratiquement tous les modèles expérimentaux de mesure d'activité de l'angiogenèse (Ortéga, 1999). De plus, au printemps 2003, il a été rendu public par la société Genentech que des anticorps anti-VEGF exerçaient une activité anti-tumorale chez les malades atteints de cancer du colon. Ainsi donc il est de toute première importance de rechercher des molécules naturelles pouvant se lier au VEGF et par là même d'exercer une activité anti-tumorale comparable à celle des anticorps anti-VEGF.

Le gène nov, tout d'abord identifié dans des néphroblastomes aviaires (Joliot et al., 1992; Martinerie et Perbal, 1991), a été cloné chez l'homme (novH)(Martinerie et al., 1994), la souris (novM)(Snaith et al., 1996) et Xenopus laevis (Ying et Ling, 1996). La protéine NOV, codée par le gène nov, dont la fonction est à ce jour inconnue, appartient à la famille CCN (Bork, 1993) qui comprend les protéines suivantes : CYR61 (Lau et Nathans, 1985), CTGF (Bradham et al., 1991), ELM-1 ou WISP-1 (Pennica et al., 1998; Hashimoto et al., 1998), R-COP ou WISP-2 (Pennica et al., 1998; Kumar et al., 1999; Brigstock, 1999) et WISP-3 (Pennica et al., 1998). Ces protéines sont toutes constituées de quatre domaines distincts: une protéine se liant à un facteur de 🐎 croissance analogue à l'insuline (IGFBP), un domaine de répétition facteur Willebrand de type C, un domaine de répétition thrombospondine de type I et un domaine COOHterminal. Les protéines de la famille CCN régulent différents procédés cellulaires ... normaux comprenant la prolifération, l'adhésion, l'apoptose et la chimiotaxie. Elles sont également impliquées dans l'implantation, la formation squelettique, le développement embryonnaire et dans différentes maladies telles que la fibrose, la cicatrisation et les cancers (Chevalier et al., 1998).

La protéine NOV humaine (NOVH) peut être détectée dans les tissus normaux (reins, muscles, cartilage, cerveau, poumons, ovaires, coeur et corticosurrénale) à différents niveaux (Joliot et al., 1992; Martinerie et al., 2001; Kocialkowski et al., 2001; Perbal et al., 1999) et son expression varie au cours du développement.

A ce jour les fonctions exercées par la protéine NOV ne sont pas clairement établies. Il a été récemment proposé que NOV pourrait exercer une action proangiogénique (Lin, 2003) en permettant de se lier à certaines intégrines (avb3, a6b1 et a5b1). De plus ces auteurs montrent que NOV exerce une activité proangiogénique dans le modèle de cornée de lapin. Cependant, il a été démontré que cet essai peut

conduire à des résultats faussement positifs par relargage de facteurs angiogéniques synthétisés et stockés dans la cornée (Plouët, 1997).

Ainsi la présente invention résulte de la mise en de l'activité anti-angiogénique de NOV du fait de sa liaison à VEGF.

La présente invention a pour but de fournir un nouvel agent anti-angiogénique ainsi que son mécanisme d'action.

La présente invention concerne une composition pharmaceutique caractérisée en ce qu'elle contient à titre de substance active :

- une protéine caractérisée en ce qu'elle comprend ou est constituée par :
 - * la protéine NOV, représentée par la séquence SEQ ID NO : 2, ou
 - * un fragment de cette protéine, sous réserve que ce fragment présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse, ledit fragment comprenant notamment d'environ 40 à environ 80 acides aminés, et étant notamment représenté par l'une des séquences suivantes SEQ ID NO: 4, SEQ ID NO: 6, SEQ ID NO: 8 ou SEQ ID NO: 10, ou
 - * toute séquence dérivée de la séquence SEQ ID NO: 2 ou d'un fragment défini ci-dessous, notamment par substitution, suppression ou addition d'un ou plusieurs acides aminés, sous réserve que cette séquence dérivée présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse, ou
 - * toute séquence homologue de la séquence SEQ ID NO:2 ou d'un fragment défini ci-dessous, ayant de préférence une homologie d'au moins environ 80%, et notamment 85%, avec la région comprise entre les acides aminés en position (33) et (338) de la séquence SEQ ID NO:2, sous réserve que cette séquence homologue présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse,
- une séquence nucléotidique caractérisée en ce qu'elle comprend ou est constituée par une séquence nucléotidique codant :
 - * soit pour la protéine NOV telle que définie ci-dessus,
 - * soit pour un fragment de la protéine NOV tel que défini ci-dessus,
 - * soit pour une séquence dérivée de la protéine NOV telle que définie cidessus,
 - * soit pour une séquence homologue de la protéine NOV telle que définie ci-dessus,

10

5

15

20

25

ladite séquence nucléotidique correspondant notamment à la séquence nucléotidique SEQ ID NO: 1 codant pour SEQ ID NO: 2, ou à la séquence SEQ ID NO: 3 codant pour SEQ ID NO: 4, ou à la séquence SEQ ID NO: 5 codant pour SEQ ID NO: 6, ou à la séquence SEQ ID NO: 7 codant pour SEQ ID NO: 8, ou à la séquence SEQ ID NO: 9 codant pour SEQ ID NO: 10,

un anticorps anti-idiotypique de la protéine NOV,
 en association avec un vecteur pharmaceutiquement acceptable.

La séquence SEQ ID NO : 2 correspond à la protéine humaine NOV codée par la séquence nucléotidique SEQ ID NO : 1.

La séquence SEQ ID NO: 4 correspond au fragment IGFBP (protéine se liant à un facteur de croissance analogue à l'insuline) de la protéine humaine NOV, ledit fragment étant codé par la séquence nucléotidique SEQ ID NO: 3. Ce fragment comprend 72 acides aminés et correspond au fragment de la protéine NOV allant du résidu 33 au résidu 104 de la séquence SEQ ID NO: 2.

La séquence SEQ ID NO: 6 correspond au fragment VWC (domaine de répétition facteur Willebrand de type C) de la protéine humaine NOV, ledit fragment étant codé par la séquence nucléotidique SEQ ID NO: 5. Ce fragment comprend 67 acides aminés et correspond au fragment de la protéine NOV allant du résidu 108 au résidu 174 de la séquence SEQ ID NO: 2.

La séquence SEQ ID NO: 8 correspond au fragment TSP-1 (domaine de répétition thrombospondine de type I) de la protéine humaine NOV, ledit fragment étant codé par la séquence nucléotidique SEQ ID NO: 7. Ce fragment comprend 45 acides aminés et correspond au fragment de la protéine NOV allant du résidu 206 au résidu 250 de la séquence SEQ ID NO: 2.

La séquence SEQ ID NO: 10 correspond au fragment CT (domaine COOH-terminal) de la protéine humaine NOV, ledit fragment étant codé par la séquence nucléotidique SEQ ID NO: 9. Ce fragment comprend 75 acides aminés et correspond au fragment de la protéine NOV allant du résidu 264 au résidu 338 de la séquence SEQ ID NO: 2.

L'activité d'inhibition de l'angiogenèse est également désignée activité antiangiogénique. Cette activité peut être par exemple mise en évidence in vitro en démontrant l'inhibition à la fois de la multiplication, de la migration et de la différenciation, de cellules endothéliales par les séquences peptidiques de l'invention. La mesure de l'inhibition de la multiplication des cellules endothéliales peut être

15

10

5

20

25

10

15

20

25

30

réalisée en cultivant des cellules endothéliales en présence de la séquence peptidique dont on souhaite évaluer l'activité. La mesure de l'inhibition de la migration des cellules endothéliales peut être réalisée en effectuant une « blessure » sur un tapis de cellules endothéliales et en incubant ensuite les cellules en présence de la séquence peptidique à tester. On mesure alors le nombre de cellules ayant migré sur la blessure. La mesure de l'inhibition de la différenciation (tubulogenèse) des cellules endothéliales peut être réalisée en mesurant la longueur de tubules formés par des cellules endothéliales cultivées sur gel en présence de la séquence peptidique à tester.

Parmi les modèles classiques de mesure d'angiogenèse, on peut citer les modèles par délivrance locale comme :

- l'injection sous-cutanée de Matrigel (Becton Dickinson) imprégné du composé de l'invention (Inoki et al., 2002), ou
- le dépôt sur la membrane chorio-allantoïdienne de poulet d'un implant contenant un composé de l'invention (Celerier et al., 2002).

Alternativement, le composé de l'invention peut être injecté par voie systémique (intraveineuse, intrapéritonéale, sous-cutanée) à des animaux chez qui on a créé une maladie angiogénique expérimentale. Le composé de l'invention peut aussi être injecté directement dans une tumeur. Alternativement la protéine NOV ou les fragments ou les anticorps anti-idiotypiques selon l'invention (décrits ci-après) peuvent être délivrés par une méthode de thérapie génique par voie locale ou systémique par toute méthode permettant l'expression de la protéine ou des fragments ou des anticorps anti-idiotypiques selon l'invention (virus ou plasmide contenant la séquence de NOV). Alternativement la séquence de NOV ou des fragments ou des anticorps anti-idiotypiques selon l'invention peut être insérée dans un plasmide qui est transfecté dans les cellules cancéreuses (ici la mesure consiste à mesurer l'évolution de tumeurs développées à partir de cellules cancéreuses transfectées par un plasmide contenant ou non la séquence de NOV ou d'un fragment). Tous ces procédés de mesure sont notamment décrits dans l'article de Jain et al. (1997).

On désigne par activité anti-tumorale, une activité permettant d'inhiber la croissance tumorale et/ou d'induire la régression voir la disparition de tumeurs. Cette activité peut être par exemple mise en évidence in vivo en mesurant la masse de tumeurs, dont on a induit le développement chez la souris par injection de cellules tumorales, en présence et en absence d'administration de séquences peptidiques de

l'invention et/ou d'acides nucléiques exprimant les séquences peptidiques de l'invention.

Une composition pharmaceutique avantageuse selon l'invention contient, à titre de substance active, la protéine NOV ou le fragment TSP-1 susmentionné.

5

10

15

20

25

30

Une composition avantageuse selon l'invention est caractérisée en ce que l'activité d'inhibition de l'angiogenèse est mesurée selon le test de prolifération, de migration ou de différenciation, et en ce que cette activité d'inhibition correspond à un pourcentage d'inhibition compris de 20% à 100% de l'angiogenèse obtenue en présence du véhicule seul.

Les tests de prolifération, de migration et de différenciation (angiogenèse in vitro) sont décrits plus loin dans la partie expérimentale.

La présente invention concerne également une composition telle que définie cidessus, caractérisée en ce qu'elle contient à titre de substance active la protéine NOV, représentée par la séquence SEQ ID NO : 2.

Selon un mode de réalisation avantageux de la présente invention, la composition telle que définie ci-dessus est caractérisée en ce qu'elle est susceptible d'être administrée à raison d'environ 0,1 à environ 20 mg/kg/jour.

La présente invention concerne également une composition telle que définie cidessus caractérisée en ce qu'elle est administrée sous forme d'un gène, d'une protéine ou d'un peptide contenant la séquence de type TSP-1 (SEQ ID NO : 8).

Une composition avantageuse de l'invention est notamment administrée de préférence sous forme injectable.

La présente invention concerne également l'utilisation :

- d'une protéine caractérisée en ce qu'elle comprend ou est constituée par :
 - * la protéine NOV, représentée par la séquence SEQ ID NO : 2, ou
 - * un fragment de cette protéine, sous réserve que ce fragment présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse, ledit fragment comprenant notamment d'environ 40 à environ 80 acides aminés, et étant notamment représenté par l'une des séquences suivantes SEQ ID NO: 4, SEQ ID NO: 6, SEQ ID NO: 8 ou SEQ ID NO: 10, ou
 - * toute séquence dérivée de la séquence SEQ ID NO: 2 ou d'un fragment défini ci-dessous, notamment par substitution, suppression ou addition d'un

ou plusieurs acides aminés, sous réserve que cette séquence dérivée présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse, ou

- * toute séquence homologue de la séquence SEQ ID NO: 2 ou d'un fragment défini ci-dessous, ayant de préférence une homologie d'au moins environ 80%, et notamment 85%, avec la région comprise entre les acides aminés en position (33) et (338) de la séquence SEQ ID NO: 2, sous réserve que cette séquence homologue présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse,
- d'une séquence nucléotidique caractérisée en ce qu'elle comprend ou est constituée par une séquence nucléotidique codant :
 - * soit pour la protéine NOV telle que définie ci-dessus,
 - * soit pour un fragment de la protéine NOV tel que défini ci-dessus,
 - * soit pour une séquence dérivée de la protéine NOV telle que définie cidessus,
 - * soit pour une séquence homologue de la protéine NOV telle que définie ci-dessus,

ladite séquence nucléotidique correspondant notamment à la séquence nucléotidique SEQ ID NO: 1 codant pour SEQ ID NO: 2, ou à la séquence SEQ ID NO: 3 codant pour SEQ ID NO: 4, ou à la séquence SEQ ID NO: 5 codant pour SEQ ID NO: 6, ou à la séquence SEQ ID NO: 7 codant pour SEQ ID NO: 8, ou à la séquence SEQ ID NO: 9 codant pour SEQ ID NO: 10,

– d'un anticorps anti-idiotypique de la protéine NOV, pour la préparation d'un médicament destiné au traitement de pathologies nécessitant l'inhibition de la prolifération endothéliale, notamment dans le cadre des pathologies suivantes : les cancers, la dégénérescence maculaire liée à l'âge, les rétinopathies diabétiques, la polyarthrite rhumatoïde, les angiomes, les angiosarcomes, en particulier la maladie de Castelman et le sarcome de Kaposi.

L'expression "inhibition de la prolifération endothéliale" désigne toute substance capable de freiner la prolifération de cellules endothéliales selon le test décrit plus loin (partie expérimentale).

15

10

5

20

25

La présente invention concerne également l'utilisation

5

10

15

20

25

30

- d'une protéine caractérisée en ce qu'elle comprend ou est constituée par :
 - * la protéine NOV, représentée par la séquence SEQ ID NO: 2, ou
 - * un fragment de cette protéine, sous réserve que ce fragment présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse, ledit fragment comprenant notamment d'environ 40 à environ 80 acides aminés, et étant notamment représenté par l'une des séquences suivantes SEQ ID NO: 4, SEQ ID NO: 6, SEQ ID NO: 8 ou SEQ ID NO: 10, ou
 - * toute séquence dérivée de la séquence SEQ ID NO: 2 ou d'un fragment défini ci-dessous, notamment par substitution, suppression ou addition d'un ou plusieurs acides aminés, sous réserve que cette séquence dérivée présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse, ou
 - * toute séquence homologue de la séquence SEQ ID NO: 2 ou d'un fragment défini ci-dessous, ayant de préférence une homologie d'au moins environ 80%, et notamment 85%, avec la région comprise entre les acides aminés en position (33) et (338) de la séquence SEQ ID NO: 2, sous réserve que cette séquence homologue présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse,
- d'une séquence nucléotidique caractérisée en ce qu'elle comprend ou est constituée par une séquence nucléotidique codant :
 - * soit pour la protéine NOV telle que définie ci-dessus,
 - * soit pour un fragment de la protéine NOV tel que défini ci-dessus,
 - * soit pour une séquence dérivée de la protéine NOV telle que définie cidessus,
 - * soit pour une séquence homologue de la protéine NOV telle que définie ci-dessus,

ladite séquence nucléotidique correspondant notamment à la séquence nucléotidique SEQ ID NO: 1 codant pour SEQ ID NO: 2, ou à la séquence SEQ ID NO: 3 codant pour SEQ ID NO: 4, ou à la séquence SEQ ID NO: 5 codant pour SEQ ID NO: 6, ou à la séquence SEQ ID NO: 7 codant pour SEQ ID NO: 8, ou à la séquence SEQ ID NO: 9 codant pour SEQ ID NO: 10,

d'un anticorps anti-idiotypique de la protéine NOV,

pour la préparation d'un médicament destiné au traitement de pathologies nécessitant l'inhibition de l'activation endothéliale, notamment dans le cadre des pathologies suivantes : le rejet d'allogreffe et de xénogreffe, les acrocyanoses, les sclérodermies, ou dans le cadre de la préparation de greffons entre le prélèvement et la transplantation.

L'expression "activation endothéliale" correspond à toute pathologie impliquant des cellules endothéliales soumises à une concentration accrue en VEGF par rapport à l'état non pathologique.

DESCRIPTION DES FIGURES

5

10

15

20

25

30

La Figure 1 correspond à la liaison de la forme iodée du VEGF $_{165}$ sur la protéine NOV.

La protéine NOV (4 µg/ml) est immobilisée sur du plastique selon les conditions décrites dans la partie expérimentale, puis incubée avec du VEGF₁₆₅ iodé (1 ng/puits) en absence (colonne PBS) ou présence de 2 µg/ml de VEGF₁₆₅ (colonne 0) ou de NOV (colonne NOV). Les résultats sont exprimés en cpm de VEGF₁₆₅ iodé fixé par puits, après lavage.

La Figure 2 correspond à la liaison de la forme iodée du VEGF $_{189}$ sur la protéine NOV.

La protéine NOV (4 μg/ml) est immobilisée sur du plastique selon les conditions décrites dans la partie expérimentale, puis incubée avec du VEGF₁₈₉ iodé (1 ng/puits) en absence (colonne PBS) ou présence de 2 μg/ml de VEGF₁₈₉ (colonne 0) ou de NOV (colonne NOV). Les résultats sont exprimés en cpm de VEGF₁₈₉ iodé fixé par puits, après lavage.

La Figure 3 correspond au test de migration des cellules. Les cellules sont comptées dans 8 champs et la moyenne est représentée sur l'axe des ordonnées. L'axe des abscisses correspond à la concentration de la protéine NOV en µg/ml. Les points représentés par des losanges correspondent aux cellules non incubées avec VEGF et les points représentés par des carrés correspondent aux cellules préalablement traitées avec du VEGF.

La Figure 4 correspond au test de prolifération des cellules. L'axe des abscisses correspond à la concentration de la protéine NOV en µg/ml et l'axe des ordonnées à la densité optique mesurée à 595 nm. Les points représentés par des losanges correspondent aux cellules qui n'ont pas été stimulées par le VEGF et les points représentés par des carrés correspondent aux cellules qui ont été stimulées par le VEGF.

La Figure 5 correspond au test d'adhésion des cellules FBAE. L'axe des abscisses correspond à la concentration de la protéine NOV en µg/ml et l'axe des ordonnées à la densité optique mesurée à 595 nm. Les points représentés par des losanges correspondent aux cellules non incubées avec VEGF et les points représentés par des carrés correspondent aux cellules préalablement traitées avec du VEGF.

PARTIE EXPÉRIMENTALE

Matériels:

La molécule NOV est produite par infection de cellules d'insecte SF9 par un baculovirus recombinant contenant l'ADNc correspondant (SEQ ID NO : 1)(Thibout et al., 2003).

Les isoformes de 165 et 189 acides aminés du VEGF sont produites par infection de cellules d'insecte SF9 par un baculovirus recombinant contenant l'ADNc correspondant (Plouët et al., 1997).

Des cellules endothéliales artérielles ombilicales humaines (HUAEC) ont été isolées à partir d'artères ombilicales perfusées avec du collagène (Sigma) pour digérer la membrane basale. Les cellules HUAEC ont été maintenues dans du SFM (Life Sciences) additionné de 20% de sérum de veau fœtal (SVF) inactivé par la chaleur. Les cultures souches ont reçu 1 ng/ml de VEGF chaque jour.

Des cellules endothéliales d'aorte fœtale bovine (FBAE) ont été isolées à partir d'aortes fœtales obtenues auprès d'un abattoir local. Les cellules ont été maintenues dans du DMEM glutamax (Life Sciences) additionné de 10% de sérum de veau nouveau-né (NBCS) inactivé par la chaleur, 100 µg/ml de pénicilline et 100 µg/ml de streptomycine à 37°C dans 10% de CO₂ et 1 ng/ml de VEGF tous les 2 jours.

15

10

5

20

25

ioi acpoi

Interaction directe entre VEGF et NOV

Pour la liaison à la protéine NOV immobilisée, des plaques ELISA à 96 puits ont été recouvertes de 4 μg/ml de protéine NOV dans un tampon carbonate 0,05 M à pH 9,6 pendant la nuit à 4°C. Les sites de liaison non spécifiques ont été bloqués avec 5 mg/ml de BSA dans du tampon carbonate. Après avoir lavé deux fois les puits avec du PBS à pH 7,4, on a ajouté 1 ng de VEGF iodé à chaque puits en présence ou non de 2 μg/ml de VEGF₁₆₅ ou de NOV, dilués dans du PBS contenant 0,05 % de Tween 20, 0,5% de BSA, 1 mM de MgCl₂ et 1 mM de CaCl₂.

Les puits ont été lavés 3 fois avec un mélange PBS-Tween 20 0,1%-BSA 0,5% et les protéines liées ont été solubilisées dans du NaOH 0,2M.

Les résultats de ces expériences sont représentés dans les figures 1 et 2.

La Figure 1 montre que le VEGF₁₆₅ iodé s'associe spécifiquement à NOV puisque l'addition de VEGF non radiomarqué (VEGF) inhibe cette liaison. De même, l'addition de NOV inhibe la liaison de VEGF₁₆₅ radiomarqué à NOV.

Tests de migration

5

10

15

20

25

30

Des cellules FBAE sont inoculées dans des puits de 4 cm² à haute densité (50 000 cellules/puits). Quand la monocouche est confluente, la prolifération est arrêtée par l'incubation, pendant une nuit, en présence de DMEM sans sérum. Une blessure est alors pratiquée dans la monocouche à l'aide d'un grattoir mousse, permettant de délimiter une surface libre de toute cellule. Les monocouches sont ensuite layées 3 fois par du DMEM pour enlever les cellules non adhérentes. Une photographie est alors prise pour délimiter la surface avant toute migration cellulaire. Les puits sont ensuite incubés en DMEM seul ou en présence de 50 ng/ml de VEGF en présence de concentrations variables de NOV. Après 24 h les puits sont lavés 3 fois et colorés au May-Grunwald-Giemsa et photographiées. Les photographies prises avant et après l'expérience sont alors superposées pour permettre le comptage des cellules ayant migré.

Les résultats de ces tests sont indiqués dans la Figure 3.

L'addition de NOV en l'absence de VEGF n'a pas d'effet sur la migration basale des cellules. En revanche, NOV inhibe l'activité du VEGF et 50% de l'effet maximal est obtenu avec une concentration de 50-100 ng/ml de NOV.

Tests de prolifération

5

10

15

20

25

30

Des plaques de culture à 96 puits ont été ensemencées avec 1000 cellules FBAE par puits dans du DMEM additionné de 5% de NBCS. Les cellules ont été stimulées ou non avec 2 ng/ml de VEGF₁₆₅ et différentes concentrations de NOV. Au bout de 5 jours, les puits ont été rincés doucement avec du DMEM et les cellules ont été fixées dans 1% de glutaldéhyde pendant 20 minutes à température ambiante. Les cellules fixées ont été quantifiées par incorporation de violet cristallisé (Kueng et al., 1989) : les cellules ont été incubées dans 0,1% de violet cristallisé (Sigma) dilué dans 0,2 M de tampon borate à pH 9,5 pendant 20 minutes à température ambiante, le colorant non incorporé a été éliminé en lavant complètement les puits avec de grandes quantités d'eau et le colorant violet cristallisé incorporé a ensuite été solubilisé par 100 µ1 de 10% d'acide acétique par puits. Les lectures de densité optique ont été effectuées à 595 nm. Des résultats similaires ont été obtenus dans trois expériences séparées (voir Figure 4). Les valeurs indiquées sont des densités optiques moyennes de 6 puits ± SD.

La protéine NOV utilisée seule n'a pas d'effet significatif sur la prolifération basale (due au sérum seul). En revanche, la protéine NOV inhibe la prolifération induite par le VEGF sur un mode dépendant de la dose. 50% de l'effet maximal est obtenu avec une concentration de 100-200 ng/ml de NOV.

Tests d'adhésion cellulaire

Des plaques ELISA à 96 puits (Nunc) ont été recouvertes de protéine VEGF₁₆₅ selon le protocole décrit dans l'article de Hutchings et al. (2003), diluée dans du tampon carbonate 0,05 M à pH 9,6 pendant la nuit à 4°C. Les sites de liaison non spécifiques ont été bloqués pendant 1 heure à 37°C avec 5 mg/ml de BSA dans du tampon carbonate et lavés deux fois avec du DMEM avant les expériences. Les cellules ont été trypsinisées, lavées et remises en suspension dans 5 ml de DMEM avec 10% de SVF dans un tube de plastique non traité et incubées pendant 1 heure à 37°C avec 10% de CO₂. Les cellules ont ensuite été concentrées par centrifugation et remises en suspension dans un mélange DMEM + 0,2% BSA sans sérum et la suspension cellulaire a été traitée pendant 20 minutes (37°C, 10% de CO₂) avec la protéine NOV utilisée pour moduler l'adhésion. 40 000 cellules par puits ont été distribuées dans les puits dans un volume de 100 μl de DMEM + 0,2% de BSA. Les cellules ont été laissées adhérer à 37°C sous 10% de CO₂ pendant le temps voulu. Les puits ont été lavés doucement trois fois avec du DMEM pour retirer les cellules non adhérentes et les cellules adhérentes

ont été fixées avec 1% de glutaraldéhyde pendant 20 minutes à température ambiante. Les cellules fixées ont été quantifiées par incorporation de cristal violet (Kueng et al., 1989): les cellules ont été incubées avec 0,1% de violet cristallisé (Sigma) dilué dans 0,2 M de tampon borate à pH 9,5 pendant 20 minutes à température ambiante, le colorant non incorporé a été éliminé en lavant complètement les puits avec de grandes quantités d'eau et le colorant cristal violet incorporé a ensuite été solubilisé par 100 µl de 10% d'acide acétique par puits (voir Figure 5).

Angiogenèse in vitro

5

10

15

20

25

30

Quatre queues de rat ont été dépiautées et disséquées pour récupérer les faisceaux blancs qui sont constitués en majeure partie de collagène de type I. Le collagène est extrait de ces fibres dans 50 ml d'acide acétique 0,5 M froid et agités sur une nuit. Le liquide est ensuite centrifugé à 5000g pendant 40 minutes et le surnageant est récupéré. L'extraction est refaite une fois avec 20 ml d'acide acétique, les surnageants sont mélangés et puis dialysés contre 1 l d'acide acétique 0,2 M. La concentration en collagène est ajustée à 3 mg/ml par pesée. La préparation des gels pour l'angiogenèse in vitro s'effectue sur de la glace pour conserver la solution de collagène sous forme liquide. Un ml de collagène (5 mg/ml) est mélangé à 0,5 ml de DMEM 10X (contenant une concentration 10X en antibiotiques et en glutamine), 0,9 ml de H2O stérile et 0,1 ml de bicarbonate de sodium 1M. Une fois le pH ajusté à 7,4, il est ajouté un volume égal de matrigel (Becton Dickinson). Le gel est coulé dans des puits de culture (2 mm d'épaisseur) et incubé à 37°C pour se solidifier. Les cellules sont rajoutées après 15 minutes (100 000 cellules/cm²) sur la surface du gel. Après 2 heures, les différents facteurs solubles sont ajoutés et les cellules sont observées et photographiées après 24 heures.

Production d'anticorps anti-idiotypiques

Dans un premier temps on prépare un anticorps neutralisant de NOV en injectant à un animal, notamment une souris, de la protéine NOV mélangée avec de l'adjuvant complet de Freund (1 volume par volume de protéine NOV). On choisira une quantité de NOV comprise entre 1 et 200 µg/kg de poids corporel pour immuniser l'animal. La même opération est effectuée à 15 et 30 jours d'intervalle, excepté que l'adjuvant complet est remplacé par de l'adjuvant incomplet. Au jour 40 une saignée est pratiquée, le sérum est séparé et les immunoglobulines sont purifiées par toute méthode de

fractionnement habituelle, notamment précipitation au sulfate d'ammonium, chromatographie d'affinité pour la protéine A ou G. On mesure l'activité neutralisante des immunoglobulines par n'importe quel test décrit (liaison du VEGF iodé, prolifération, migration, adhésion cellulaire). Un lot d'immunoglobulines sera dit neutralisant quand il aura la capacité d'inhiber l'interaction de NOV avec le VEGF.

5

10

15

· 20

25

30

Dans un deuxième temps on prépare des anticorps anti-idiotypiques de NOV en injectant à des souris par voie sous-cutanée 1-100 µg de la préparation des immunoglobulines neutralisant l'activité de NOV précédemment décrites en association avec 100 µl d'adjuvant, notamment de l'adjuvant complet de Freund (Sigma). L'injection est répétée 15, 30 et 45 jours après. Cinquante-cinq jours après la première injection, on injecte à des souris 10 µg du même anticorps par voie intrapéritonéale. Cinquante-huit jours après la première injection, les souris sont sacrifiées et leurs rates sont prélevées et dilacérées dans du milieu ISCOVE pour libérer les splénocytes. Les splénocytes sont fusionnés avec des cellules de myélome de souris, notamment des cellules AG8X 63 (Kearney et al., 1979), et incubés à raison de 100 000 cellules/puits. La fusion s'effectue par ajout de 20 fois 50 µl de polyéthylène glycol (PEG) à 30 ··· secondes d'intervalle. Quatre ml de milieu ISCOVE préchauffé à 37°C sont alors ajoutés goutte à goutte sur la suspension cellulaire, puis après une période d'incubation de 4 minutes à 37°C, 4 ml sont ajoutés. La suspension est centrifugée puis le culot cellulaire est alors repris dans 100 ml de milieu ISCOVE complémenté avec 20% de sérum de veau foetal et du HAT 1X (50X : Hypoxanthine 5 mM, Aminoptérine 20 μM et Thymidine 0,8 mM) et distribuées à raison de 100 µl par puits sur les macrophages. Après 5 jours, 100 µl de milieu HAT sont ajoutés, et entre 8 et 14 jours le milieu conditionné de chaque hybridome est prélevé pour mesurer par ELISA les anticorps dirigés contre les anticorps ayant servi d'agent immunogène, c'est à dire les anticorps anti-NOV. On mesure alors l'activité des anticorps anti-idiotypiques par un test ELISA :

Les fragments Fab des immunoglobulines anti NOV, préparés par toute technique conventionnelle, notamment une digestion à la papaine, sont immobilisés sur des plaques de microtitration (0,1-20 µg/ml dans du tampon carbonate 50 mM pH 9,6). Après saturation des sites non spécifiques par une solution de sérum albumine diluée à 5 mg/ml dans le même tampon, les surnageants de cultures d'hybridomes sont ajoutés dilués pour moitié dans du tampon PBS contenant 0,05% de Tween 20. Après rinçages, les anticorps anti-idiotypiques sont révélés par adjonction d'une concentration appropriée d'anticorps anti-Fc de souris couplé à la peroxydase. La quantité d'anticorps

10

15

20

25

anti-idiotypique fixé est alors mesurée par révélation de la peroxydase et est proportionnelle à l'intensité de la réaction colorimétrique.

Les hybridomes sélectionnés par leur capacité à sécréter des anticorps dirigés contre des anticorps anti-NOV sont alors clonés, c'est-à-dire que les cellules sont ensemencées en condition de dilution limite (5 cellules/ml) sous un volume de 0,1 ml par puits. Le milieu est changé après 10 jours. Après 15 jours, certains puits contiennent des foyers de cellules qui se sont multipliées à partir de la cellule ensemencée au départ, donc toutes ces cellules sont identiques et sont issues du même clone. Quand la surface occupée par les cellules représente au moins la moitié de la surface totale du puits, le milieu est prélevé et analysé comme précédemment par un ELISA sur Fab anti-NOV. A ce stade on peut sélectionner les clones producteurs d'anticorps et connaître leur spécificité.

Une fois les clones identifiés, leur nature monoclonale est affirmée par l'opération classique consistant à ensemencer une plaque de 96 puits avec des cellules issues du même clone diluées en conditions limites comme précédemment. Les clones sécréteurs doivent donc tous sécréter un anticorps de même spécificité pour que l'on déclare cet anticorps monoclonal. Un troisième clonage est alors effectué exactement dans les mêmes conditions pour s'assurer que les clones sont bien monoclonaux.

Les anticorps anti-idiotypiques sont criblés par une batterie de tests, notamment par un test ELISA sur VEGF immobilisé. Du VEGF est immobilisé (0,1-10 µg/ml) dans du tampon carbonate comme précédemment et toutes les étapes de cet ELISA sont identiques à celles décrites dans l'ELISA sur Fab anti-NOV. Ce test permet de cribler parmi tous les anticorps anti-idiotypiques ceux qui miment les fonctions de la protéine NOV (SEQ ID NO : 2) ou des fragments de type TSP-1 (SEQ ID NO : 8), c'est-à-dire des anticorps reconnaissant le VEGF.

RÉFÉRENCES

- Bork P (1993) The modular architecture of a new family of growth regulators related to connective tissue growth factor. FEBS Lett. 327: 125-130,
- Bradham DM, Igarashi A, Potter RL, Grotendorst GR (1991) Connective tissue growth factor: a cysteine-rich mitogen secreted by human vascular endothelial cells is related to the SRC-induced immediate early gene product CEF-10. *J Cell Biol.* 114:1285-1294,
- Brigstock DR (1999) The connective tissue growth factor/cysteine-rich 61/nephroblastoma overexpressed (CCN) family. *Endocrine Rev.* 20:189-206,
- Brooks PC, Clark RA, Cheresh DA (1994) Requirement of vascular integrin alpha v beta 3 for angiogenesis. *Science*, 264, 569-71,
- Celerier J, Cruz A, Lamande N, Gasc JM, Corvol P (2002) Angiotensinogen and its cleaved derivatives inhibit angiogenesis. *Hypertension*. 39(2):224-8,
- Chevalier G, Yeger H, Martinerie C, et al. (1998) nov H: Differential expression in developing kidney and in Wilms' tumors. Am J Pathol. 152:1563-1575,
- Hashimoto Y, Shindo-Okada N, Tani M, et al. (1998) Expression of the Elm-1 gene, a novel gene of the CCN (CTGF, Cyr61/Cef10 and nov) family, suppress in vivos growth and metastasis of K-1735 murine melanoma cells. *J Exp Med.* 187:289-296,
 - Herbst et al. (2002) J. Clin. Oncol. 20:3804-3814,
- Hutchings H, Ortéga N, Plouët J (2003) Extracellular matrix bound vascular endothelial growth factor promotes endothelial cell adhesion, migration and survival through integrin ligation. *FASEB J.* Apr 22 (Epub ahead of print)
- Inoki I, Shiomi T, Hashimoto G, Enomoto H, Nakamura H, Makino K, Ikeda E, Takata S, Kobayashi K, Okada Y (2002) Connective tissue growth factor binds vascular endothelial growth factor (VEGF) and inhibits VEGF-induced angiogenesis. *FASEB J.* 16(2):219-21,
- Jain RK, Schlenger K, Hockel M, Yuan F (1997) Quantitative angiogenesis assays: progress and problems. Nat Med. 3(11):1203-8,
- Joliot V, Martinerie C, Dambrine G, et al. (1992) Proviral rearrangements and overexpression of a new cellular gene (nov) in myeloblastosis-associated virus type 1-induced nephroblastomas. *Mol Cell Biol.* 12:10-21,

10

5

15

20

25

- Kearney JF, Radbruch A, Liesegang B, Rajewsky K (1979) A new mouse myeloma cell line that has lost immunoglobulin expression but permits the construction of antibody-secreting hybrid cell lines. *J. Immunol.* 123, 1548-50,
- Kocialkowski SY, H. Kingdom, J. Perbal, B. Schofield, PN (2001) Expression of the human NOV gene in first trimester fetal tissues. *Anat Embryol.* **203**:417-427,
- Kumar S, Hand AT, Connor JR, et al. (1999) Identification and cloning of a Connective tissue growth factor-like cDNA from human osteoblasts encoding a novel regulator of osteoblast functions. *J Biol Chem.* 274:17123-17131,
- Lau L, Nathans D (1985) Expression of a set of growth-regulated immediate early genes in BALB/c 3T3 cells: coordinate regulation with c-fos or c-myc. Proc Natl Acad Sci USA. 84: 1182-1186,
- Lin CJ, Leu S-J, Chen N, Tebeau CM, Lin S-X, Yeung C-H, Lau LJ, (2003) CCN3 (NOV) is a novel angiogenic regulator of the CCN protein family. *J. Biol. Chem.*, 278, 24200-24208,
- Martinerie C, Gicquel C, Louvel A, Laurent M, Schofield P, LeBouc Y (2001) Altered expression of NovH is associated with human adrenocortical tumorigenesis. JCEM. 86:3929-3940,
- Martinerie C, Huff V, Joubert I, et al. (1994) Structural analysis of the human nov proto-oncogene and expression in Wilms tumor. *Oncogene* 9: 2729-2732,
- Martinerie C, Perbal B (1991) Expression of a gene encoding a novel IGF binding protein in human tissues. CR Acad Sci Paris. 313: 345-351,
 - O'Reilly et al. (1997) Cell 88:277-285,
- Ortéga N, Hutchings H, Plouët J (1999) Signal relays in the VEGF system. Front. Biosc., 4, D141-D152,
- Pennica D, Swanson TA, Welsh JW, et al. (1998) WISP genes are members of the connective tissue growth factor family that are up-regulated in human colon tumors. *Proc Natl Acad Sci.* 95:14717-14722,
- Perbal B, Martinerie C, Sainson R, Werner M, He B, Roizman B (1999) The C-terminal domain of the regulatory protein NOVH is sufficient to promote interaction with fibulin 1C: a clue for a role of NOVH in cell- adhesion signaling. *Proc Natl Acad Sci USA*. 96: 869-874,
- Plouët J, Moro F, Coldeboeuf N, Bertagnolli S, Clamens S, Bayard F (1997) Extracellular cleavage of the vascular endothelial growth factor 189 aa form by urokinae is required for its mitogenic activity. *J. Biol. Chem.*, 272, 13390-13396,

5

15

20

25

- Snaith M, Natarajan D, Taylor L, et al. (1996) Genomic structure and chromosomal mapping of the mouse nov gene. *Genomics*. 38: 425-428,
- Thibout H, Martinerie C, Creminon C, Godeau F, Boudou P, Le Bouc Y, Laurent M (2003) Characterization of NOVH in biological fluids: an enzyme immuno assay for the quantification of NOVH in sera from patients with diseases of the adrenal gland and of the nervous system. *J Clin Endocrinol Metab.* 88(1):327-336,

- Ying Z, Ling ML (1996) Isolation and characterization of xnov, a Xenopus laevis ortholog of the chicken nov gene. Gene: 17 1:243-248,

REVENDICATIONS

- 1. Composition pharmaceutique caractérisée en ce qu'elle contient à titre de substance active :
 - une protéine caractérisée en ce qu'elle comprend ou est constituée par :
 - * la protéine NOV, représentée par la séquence SEQ ID NO: 2, ou
 - * un fragment de cette protéine, sous réserve que ce fragment présente une activité d'inhibition de l'angiògenèse, ledit fragment comprenant notamment d'environ 40 à environ 80 acides aminés, et étant notamment représenté par l'une des séquences suivantes SEQ ID NO: 4, SEQ ID NO: 6, SEQ ID NO: 8 ou SEQ ID NO: 10, ou
 - * toute séquence dérivée de la séquence SEQ ID NO: 2 ou d'un fragment défini ci-dessous, notamment par substitution, suppression ou addition d'un ou plusieurs acides aminés, sous réserve que cette séquence dérivée présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse, ou
 - * toute séquence homologue de la séquence SEQ ID NO: 2 ou d'un fragment défini ci-dessous, ayant de préférence une homologie d'au moins environ 80%, et notamment 85%, avec la région comprise entre les acides aminés en position (33) et (338) de la séquence SEQ ID NO: 2, sous réserve que cette séquence homologue présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse,
- une séquence nucléotidique caractérisée en ce qu'elle comprend ou est constituée par une séquence nucléotidique codant :
 - * soit pour la protéine NOV telle que définie ci-dessus,
 - * soit pour un fragment de la protéine NOV tel que défini ci-dessus,
 - * soit pour une séquence dérivée de la protéine NOV telle que définie cidessus,
 - * soit pour une séquence homologue de la protéine NOV telle que définie ci-dessus,

ladite séquence nucléotidique correspondant notamment à la séquence nucléotidique SEQ ID NO : 1 codant pour SEQ ID NO : 2, ou à la séquence SEQ ID NO : 3 codant pour SEQ ID NO : 4, ou à la séquence SEQ ID NO : 5 codant pour SEQ

5

10

15

20

25

REVENDICATIONS

- 1. Composition pharmaceutique caractérisée en ce qu'elle contient à titre de substance active :
 - une protéine caractérisée en ce qu'elle comprend ou est constituée par :
 - * la protéine NOV, représentée par la séquence SEQ ID NO: 2, ou
 - * un fragment de cette protéine, sous réserve que ce fragment présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse, ledit fragment comprenant notamment d'environ 40 à environ 80 acides aminés, et étant notamment représenté par l'une des séquences suivantes SEQ ID NO: 4, SEQ ID NO: 6, SEQ ID NO: 8 ou SEQ ID NO: 10, ou
 - * toute séquence dérivée de la séquence SEQ ID NO : 2 ou d'un fragment défini ci-dessus, notamment par substitution, suppression ou addition d'un ou plusieurs acides aminés, sous réserve que cette séquence dérivée présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse, ou
 - * toute séquence homologue de la séquence SEQ ID NO: 2 ou d'un fragment défini ci-dessus, ayant de préférence une homologie d'au moins s'environ 80%, et notamment 85%, avec la région comprise entre les acides aminés en position (33) et (338) de la séquence SEQ ID NO: 2, sous réserve que cette séquence homologue présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse,

en association avec un vecteur pharmaceutiquement acceptable.

- 2. Composition selon la revendication 1, caractérisée en ce qu'elle contient à titre de substance active la protéine NOV, représentée par la séquence SEQ ID NO: 2.
- 3. Composition selon la revendication 1 ou 2, caractérisée en ce qu'elle contient à titre de substance active la séquence SEQ ID NO : 8.

4. Utilisation:

- d'une protéine caractérisée en ce qu'elle comprend ou est constituée par :
 - * la protéine NOV, représentée par la séquence SEQ ID NO: 2, ou

20

15

5

10

25

ID NO: 6, ou à la séquence SEQ ID NO: 7 codant pour SEQ ID NO: 8, ou à la séquence SEQ ID NO: 9 codant pour SEQ ID NO: 10,

- un anticorps anti-idiotypique de la protéine NOV, en association avec un vecteur pharmaceutiquement acceptable.
- 2. Composition selon la revendication 1, caractérisée en ce que l'activité d'inhibition de l'angiogenèse est mesurée selon le test de prolifération, de migration ou de différenciation, et en ce que cette activité d'inhibition correspond à un pourcentage d'inhibition compris de 20% à 100% de l'angiogenèse obtenue en présence du véhicule seul.
- 3. Composition selon la revendication 1 ou 2, caractérisée en ce qu'elle contient à titre de substance active la protéine NOV, représentée par la séquence SEQ ID NO: 2.
- 4. Composition selon l'une des revendications 1 à 3, caractérisée en ce qu'elle est susceptible d'être administrée à raison d'environ 0,1 à environ 20 mg/kg/jour.
- 5. Composition selon l'une quelconque des revendications 1 à 4, caractérisée en ce qu'elle est administrée sous forme d'un gène, d'une protéine ou d'un peptide contenant la séquence SEQ ID NO : 8.

6. Utilisation:

5

10

15

20

25

- d'une protéine caractérisée en ce qu'elle comprend ou est constituée par :
 - * la protéine NOV, représentée par la séquence SEQ ID NO: 2, ou
 - * un fragment de cette protéine, sous réserve que ce fragment présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse, ledit fragment comprenant notamment d'environ 40 à environ 80 acides aminés, et étant notamment représenté par l'une des séquences suivantes SEQ ID NO: 4, SEQ ID NO: 6, SEQ ID NO: 8 ou SEQ ID NO: 10, ou
 - * toute séquence dérivée de la séquence SEQ ID NO: 2 ou d'un fragment défini ci-dessous, notamment par substitution, suppression ou addition d'un ou plusieurs acides aminés, sous réserve que cette séquence dérivée présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse, ou

* un fragment de cette protéine, sous réserve que ce fragment présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse, ledit fragment comprenant notamment d'environ 40 à environ 80 acides aminés, et étant notamment représenté par l'une des séquences suivantes SEQ ID NO: 4, SEQ ID NO: 6, SEQ ID NO: 8 ou SEQ ID NO: 10, ou

* toute séquence dérivée de la séquence SEQ ID NO: 2 ou d'un fragment défini ci-dessus, notamment par substitution, suppression ou addition d'un ou plusieurs acides aminés, sous réserve que cette séquence dérivée présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse, ou

* toute séquence homologue de la séquence SEQ ID NO: 2 ou d'un fragment défini ci-dessus, ayant de préférence une homologie d'au moins environ 80%, et notamment 85%, avec la région comprise entre les acides aminés en position (33) et (338) de la séquence SEQ ID NO: 2, sous réserve que cette séquence homologue présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse,

pour la préparation d'un médicament destiné au traitement de pathologies nécessitant l'inhibition de la prolifération endothéliale, notamment dans le cadre des pathologies suivantes : les cancers, la dégénérescence maculaire liée à l'âge, les rétinopathies diabétiques, la polyarthrite rhumatoïde, les angiomes, les angiosarcomes, en particulier la maladie de Castelman et le sarcome de Kaposi.

5. Utilisation

- d'une protéine caractérisée en ce qu'elle comprend ou est constituée par :
 - * la protéine NOV, représentée par la séquence SEQ ID NO: 2, ou
 - * un fragment de cette protéine, sous réserve que ce fragment présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse, ledit fragment comprenant notamment d'environ 40 à environ 80 acides aminés, et étant notamment représenté par l'une des séquences suivantes SEQ ID NO: 4, SEQ ID NO: 6, SEQ ID NO: 8 ou SEQ ID NO: 10, ou
 - * toute séquence dérivée de la séquence SEQ ID NO: 2 ou d'un fragment défini ci-dessus, notamment par substitution, suppression ou addition d'un ou plusieurs acides aminés, sous réserve que cette séquence dérivée présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse, ou

10

5

15

20

25

ici ucpor

- d'une séquence nucléotidique caractérisée en ce qu'elle comprend ou est constituée par une séquence nucléotidique codant :
 - * soit pour la protéine NOV telle que définie ci-dessus,
 - * soit pour un fragment de la protéine NOV tel que défini ci-dessus,
 - * soit pour une séquence dérivée de la protéine NOV telle que définie cidessus,
 - * soit pour une séquence homologue de la protéine NOV telle que définie ci-dessus,

ladite séquence nucléotidique correspondant notamment à la séquence nucléotidique SEQ ID NO: 1 codant pour SEQ ID NO: 2, ou à la séquence SEQ ID NO: 3 codant pour SEQ ID NO: 4, ou à la séquence SEQ ID NO: 5 codant pour SEQ ID NO: 6, ou à la séquence SEQ ID NO: 7 codant pour SEQ ID NO: 8, ou à la séquence SEQ ID NO: 9 codant pour SEQ ID NO: 10,

– d'un anticorps anti-idiotypique de la protéine NOV, pour la préparation d'un médicament destiné au traitement de pathologies nécessitant l'inhibition de la prolifération endothéliale, notamment dans le cadre des pathologies suivantes : les cancers, la dégénérescence maculaire liée à l'âge, les rétinopathies diabétiques, la polyarthrite rhumatoïde, les angiomes, les angiosarcomes, en particulier la maladie de Castelman et le sarcome de Kaposi.

7. Utilisation

- d'une protéine caractérisée en ce qu'elle comprend ou est constituée par :
 - * la protéine NOV, représentée par la séquence SEQ ID NO: 2, ou
 - * un fragment de cette protéine, sous réserve que ce fragment présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse, ledit fragment comprenant notamment d'environ 40 à environ 80 acides aminés, et étant notamment

10

5

15

20

25

* toute séquence homologue de la séquence SEQ ID NO: 2 ou d'un fragment défini ci-dessus, ayant de préférence une homologie d'au moins environ 80%, et notamment 85%, avec la région comprise entre les acides aminés en position (33) et (338) de la séquence SEQ ID NO: 2, sous réserve que cette séquence homologue présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse,

pour la préparation d'un médicament destiné au traitement de pathologies nécessitant l'inhibition de l'activation endothéliale, notamment dans le cadre des pathologies suivantes : le rejet d'allogreffe et de xénogreffe, les acrocyanoses, les sclérodermies, ou dans le cadre de la préparation de greffons entre le prélèvement et la transplantation.

10

15

6. Utilisation selon la revendication 4 ou 5, pour la préparation d'une composition selon l'une des revendications 1 à 3 destinée à être administrée à raison d'environ 0,1 à environ 20 mg/kg/jour.

10

15

20

25

30

représenté par l'une des séquences suivantes SEQ ID NO: 4, SEQ ID NO: 6, SEQ ID NO: 8 ou SEQ ID NO: 10, ou

- * toute séquence dérivée de la séquence SEQ ID NO: 2 ou d'un fragment défini ci-dessous, notamment par substitution, suppression ou addition d'un ou plusieurs acides aminés, sous réserve que cette séquence dérivée présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse, ou
- * toute séquence homologue de la séquence SEQ ID NO: 2 ou d'un fragment défini ci-dessous, ayant de préférence une homologie d'au moins environ 80%, et notamment 85%, avec la région comprise entre les acides aminés en position (33) et (338) de la séquence SEQ ID NO: 2, sous réserve que cette séquence homologue présente une activité d'inhibition de l'angiogenèse,
- d'une séquence nucléotidique caractérisée en ce qu'elle comprend ou est constituée par une séquence nucléotidique codant :
 - * soit pour la protéine NOV telle que définie ci-dessus,
 - * soit pour un fragment de la protéine NOV tel que défini ci-dessus,
 - * soit pour une séquence dérivée de la protéine NOV telle que définie cidessus,
 - * soit pour une séquence homologue de la protéine NOV telle que définie ci-dessus,

ladite séquence nucléotidique correspondant notamment à la séquence nucléotidique SEQ ID NO: 1 codant pour SEQ ID NO: 2, ou à la séquence SEQ ID NO: 3 codant pour SEQ ID NO: 4, ou à la séquence SEQ ID NO: 5 codant pour SEQ ID NO: 6, ou à la séquence SEQ ID NO: 7 codant pour SEQ ID NO: 8, ou à la séquence SEQ ID NO: 9 codant pour SEQ ID NO: 10,

– d'un anticorps anti-idiotypique de la protéine NOV, pour la préparation d'un médicament destiné au traitement de pathologies nécessitant l'inhibition de l'activation endothéliale, notamment dans le cadre des pathologies suivantes : le rejet d'allogreffe et de xénogreffe, les acrocyanoses, les sclérodermies, ou dans le cadre de la préparation de greffons entre le prélèvement et la transplantation.

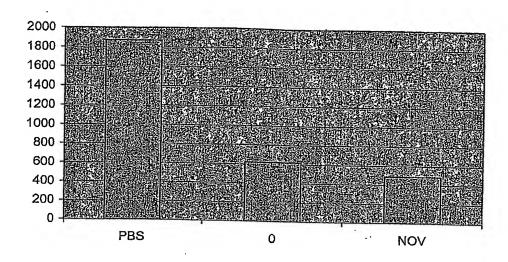


FIGURE 1.

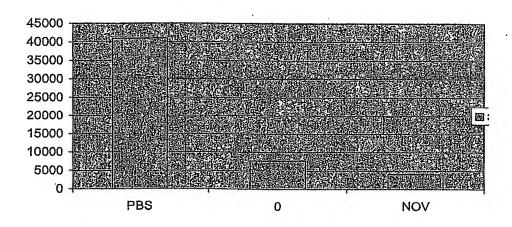


FIGURE 2

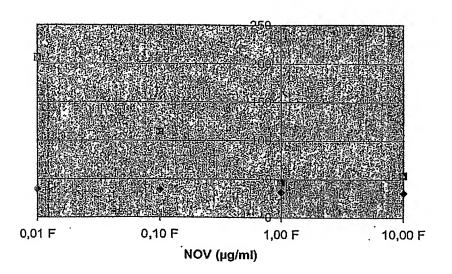


FIGURE 3

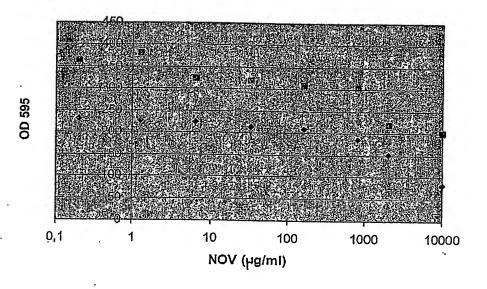


FIGURE 4

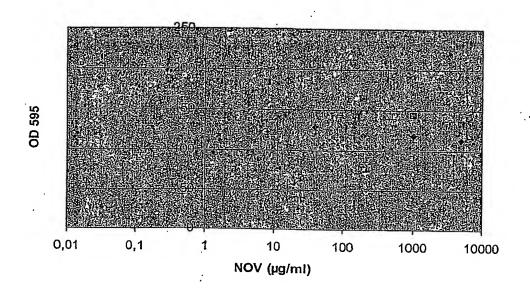


FIGURE 5

LISTE DE SEQUENCES

	LISTE DE SEQUENCES	
<110>	CENTRE NATIONAL DE LA RECHERCHE SCIENTIFIQUE	
<120>	NOUVEL AGENT ANTI-ANGIOGENIQUE ET SON UTILISATION, NOTAMMENT DANS LE CADRE DU TRAITEMENT DES CANCERS	
<130>	IFB 03 AW CNR GIOG	
<160>	10	-
<170>	PatentIn version 3.1	
<210>	1	
<211>		
<212>	ADN	
<213>	homo sapiens	
<220>		
. <221>	CDS	
<222>	(73)(1143)	
<223>		
<400>	1	
	goga goagtgocaa totacagoga agaaagtoto gtttggtaaa agogagaggg	
~~~~~~	agadaytete gtttggtaaa agegagaggg	60
yaaagec	ctga gc atg cag agt gtg cag agc acg agc ttt tgt ctc cga aag	111
	1 gift Ser Thr Ser Phe Cys Leu Arg Lys	
cac too	10	
Gln Cys	c ctt tgc ctg acc ttc ctg ctt ctc cat ctc ctg gga cag gtc	159
15	20 Led Led His Leu Leu Gly Gln Val	
~~	25	
get geg	Thr Gln Arg Cys Pro Pro Gln Cys Pro Gla to the total and the control of the Cys Pro Cys Pro Gla Cys Pro Gla to the control of the Cys Pro Gla to the control of the Cys Pro Gla to the c	207
30	Thr Gln Arg Cys Pro Pro Gln Cys Pro Gly Arg Cys Pro Ala.	207
	40 45	
acg ccg	Pro Thr Cys Ala Pro Gly Validar Ala Wall are all was a second to the company of t	
Thr Pro	The state of the s	255
	55 60	
tca tgc	tgt ctg gtg tgt gcc cgc cag cgt ggc gag agc tgc tca gat	_
ser Cys	Cys Leu Val Cys Ala Arg Gln Arg Gly Glu Ser Cys Ser Asp	303
	70 75 75 75	
ctg gag	cca tgc gac gag agc agt ggc ctc tac tgt gat cgc agc gcg	
Leu Glu	Pro Cys Asp Glu Ser Ser Gly Leu Tyr Cys Asp Arg Ser Ala	351
	85 85 90	
gac ccc	age aac cag act ggc atc tgc acg gcg gta gag gga gat aac	
Asp Pro	Ser Asn Gln Thr Gly Ile Cys Thr Ala Val Glu Gly Asp Asn	399
95	100 105 Ara val Glu Gly Asp Asn	
tgt ata		
Cys Val	ttc gat ggg gtc atc tac cgc agt gga gag aaa ttt cag cca Phe Asp Gly Val Ile Tyr Arg Son Cly Cl	447
110	115 120 Lys Phe Gln Pro	
300 5	125	
Ser Cve	aaa tto cag tgc acc tgc aga gat ggg cag att ggc tgt gtg	195
0,3	130 The Gry Arg Asp Gry Gin Ile Gly Cys Val	رودا
	135 140	



								ctg Leu 150								543
								gag Glu								591
								gga Gly								639
								gaa Glu								687
								aca Thr								735
								aat Asn 230								783
			Thr					gtg Val								831
		Pro						aaa Lys								879
	Leu							ttc Phe								927
					Phe			gtc Val								975
_		_		Thr				cag Gln 310	Ala			_	_	Ser		1023
			Val					Met					Cys		tgt Cys	1071
cac His	acc Thr 335	Asn	tgt Cys	cct Pro	aag Lys	aac Asn 340	Asn	gag Glu	gcc	ttc Phe	Leu 345	Gln	gag Glu	ctg Leu	gag Glu	1119
	Lys				355 355	Lys			ccta	tca	ctca	agaa	gc a	cacc	tacag	1173
cac	gatt tgtc	tca	tcct	tgaa taac	tc c	tatg aaat	tatt gtaa	t to	ctaa actg	tgtg taaa	ato ctt	atat ggaa	gag tca	gacc aggt	aagaat tttcat aagctc ttctat	1233 1293 1353 1413

aaatttaaga	aaacaagtat	ataatttact	ttgtagactg	tttcacattq	cactcatcat	1473
attttgttgt	gcactagtgc	aattccaaga	aaatatcact	qtaatqaqtc	agtgaagtct	1533
agaatcatac	ttaacatttc	attgtacaag	tattacaacc	atatattgag	gttcattggg	1593
aagattctct	attggctccc	tttttgggta	aaccagctct	gaacttccaa	gctccaaatc	1653
caaggaaaca	tgcagctctt	caacatgaca	tccagagatg	actattactt	ttctgtttag	1713
ttttacacta	ggaaacgtgt	tgtatctaca	gtaatgaaat	qtttactaaq	tagactagta	1773
tcataaactt	tctccattta	agacacattg	actcctttcc	aatagaaaga	aactaaacag	1833
aaaactccca	atacaaagat	gactggtccc	tcatagccct	cagacattta	tatattogaa	1893
gctgctgagg	cccccaagtt	ttttaattaa	gcagaaacag	catattagca	gggattetet	1953
catctaactg	atgagtaaac	tgaggcccaa	agcacttgct	tacatcctct	gatagetott	2013
tcaaatgtgc	attttgtgga	attttgagaa	aaatagagca	aaatcaacat	gactggtggt	2073
gagagaccac	acattttatg	agagtttgga	attattqtaq	acatgcccaa	aacttateet	2133
tgggccataa	ttatgaaaac	tcatgatcaa	gatatatgtg	tatacataca	tgtatctggt	2193
ttgtcaggct	acaaggtagg	ctgcaaaatt	aaatctagac	attcttttaa	toccaccaca	2253
cgtgttccgc	ttctctcttt	taaagtattt	ataaaaatat	aaattotaca	ttttgtaaaa	2313
tattatgttt	gatttctcta	cttgtcatat	cactaaataa	acacgatttt	attgctgaaa	2373
aaaaaaaaa	aaaaaa					2389
		•				
107.05						
<210> 2						
<211> 357						
<212> PRT						

<213> homo sapiens

Met Gln Ser Val Gln Ser Thr Ser Phe Cys Leu Arg Lys Gln Cys Leu 10

Cys Leu Thr Phe Leu Leu His Leu Leu Gly Gln Val Ala Ala Thr 25

Gln Arg Cys Pro Pro Gln Cys Pro Gly Arg Cys Pro Ala Thr Pro Pro

Thr Cys Ala Pro Gly Val Arg Ala Val Leu Asp Gly Cys Ser Cys Cys

Leu Val Cys Ala Arg Gln Arg Gly Glu Ser Cys Ser Asp Leu Glu Pro

Cys Asp Glu Ser Ser Gly Leu Tyr Cys Asp Arg Ser Ala Asp Pro Ser 90

Asn Gln Thr Gly Ile Cys Thr Ala Val Glu Gly Asp Asn Cys Val Phe 105

Asp Gly Val Ile Tyr Arg Ser Gly Glu Lys Phe Gln Pro Ser Cys Lys 120

Phe Gln Cys Thr Cys Arg Asp Gly Gln Ile Gly Cys Val Pro Arg Cys 135

Gln Leu Asp Val Leu Leu Pro Glu Pro Asn Cys Pro Ala Pro Arg Lys 150 155

Val Glu Val Pro Gly Glu Cys Cys Glu Lys Trp Ile Cys Gly Pro Asp 165

Glu Glu Asp Ser Leu Gly Gly Leu Thr Leu Ala Ala Tyr Arg Pro Glu 180 185

```
Ala Thr Leu Gly Val Glu Val Ser Asp Ser Ser Val Asn Cys Ile Glu
                             200
Gln Thr Thr Glu Trp Thr Ala Cys Ser Lys Ser Cys Gly Met Gly Phe
Ser Thr Arg Val Thr Asn Arg Asn Arg Gln Cys Glu Met Leu Lys Gln
225
                    230
                                         235
Thr Arg Leu Cys Met Val Arg Pro Cys Glu Gln Glu Pro Glu Gln Pro
                                     250
Thr Asp Lys Lys Gly Lys Lys Cys Leu Arg Thr Lys Lys Ser Leu Lys
                                 265
Ala Ile His Leu Gln Phe Lys Asn Cys Thr Ser Leu His Thr Tyr Lys
                             280
        275
Pro Arg Phe Cys Gly Val Cys Ser Asp Gly Arg Cys Cys Thr Pro His
                                             300
Asn Thr Lys Thr Ile Gln Ala Glu Phe Gln Cys Ser Pro Gly Gln Ile
305
Val Lys Lys Pro Val Met Val Ile Gly Thr Cys Thr Cys His Thr Asn
                                     330
Cys Pro Lys Asn Asn Glu Ala Phe Leu Gln Glu Leu Glu Leu Lys Thr
Thr Arg Gly Lys Met
        355
<210>
       3
<211>
       216
<212>
       ADN
<213>
       séquence artificielle
<220>
<223>
       fragment de la protéine NOV
<220>
<221> CDS
<222> .(1)..(216)
<223>
<400> 3
cag ege tge cet eee cag tge eeg gge egg tge eet geg aeg eeg eeg
                                                                        48
Gln Arg Cys Pro Pro Gln Cys Pro Gly Arg Cys Pro Ala Thr Pro Pro
acc tgc gcc ccc ggg gtg cgc gcg gtg ctg gac ggc tgc tca tgc tgt
                                                                        96
Thr Cys Ala Pro Gly Val Arg Ala Val Leu Asp Gly Cys Ser Cys Cys
             20
ctg gtg tgt gcc cgc cag cgt ggc gag agc tgc tca gat ctg gag cca
                                                                       144
Leu Val Cys Ala Arg Gln Arg Gly Glu Ser Cys Ser Asp Leu Glu Pro
                             40
                                                 45
```

tgc gac gag agc agt ggc ctc tac tgt gat cgc agc gcg gac ccc agc 192 Cys Asp Glu Ser Ser Gly Leu Tyr Cys Asp Arg Ser Ala Asp Pro Ser aac cag act ggc atc tgc acg gcg .216 Asn Gln Thr Gly Ile Cys Thr Ala 70 <210> 4 <211> 72 <212> PRT <213> séquence artificielle <220> <223> fragment de la protéine NOV <400> Gln Arg Cys Pro Pro Gln Cys Pro Gly Arg Cys Pro Ala Thr Pro Pro Thr Cys Ala Pro Gly Val Arg Ala Val Leu Asp Gly Cys Ser Cys Cys Leu Val Cys Ala Arg Gln Arg Gly Glu Ser Cys Ser Asp Leu Glu Pro Cys Asp Glu Ser Ser Gly Leu Tyr Cys Asp Arg Ser Ala Asp Pro Ser Asn Gln Thr Gly Ile Cys Thr Ala <210> 5 <211> 201 <212> ADN <213> séquence artificielle <220> <223> fragment de la protéine NOV <220> ì <221> CDS <222> (1)..(201)<223> <400> 5 gat aac tgt gtg ttc gat ggg gtc atc tac cgc agt gga gag aaa ttt 48 Asp Asn Cys Val Phe Asp Gly Val Ile Tyr Arg Ser Gly Glu Lys Phe cag cca agc tgc aaa ttc cag tgc acc tgc aga gat ggg cag att ggc 96 Gln Pro Ser Cys Lys Phe Gln Cys Thr Cys Arg Asp Gly Gln Ile Gly 20 tgt gtg ccc cgc tgt cag ctg gat gtg cta ctg cct gag cct aac tgc 144 Cys Val Pro Arg Cys Gln Leu Asp Val Leu Pro Glu Pro Asn Cys 40 45

```
cca gct cca aga aaa gtt gag gtg cct gga gag tgc tgt gaa aag tgg
                                                                       192
Pro Ala Pro Arg Lys Val Glu Val Pro Gly Glu Cys Cys Glu Lys Trp
atc tgt ggc
                                                                       201
Ile Cys Gly
<210>
       6
<211>
       67
<212>
<213>
       séquence artificielle
<220>
<223>
       fragment de la protéine NOV
<400> 6
Asp Asn Cys Val Phe Asp Gly Val Ile Tyr Arg Ser Gly Glu Lys Phe
                                     10
Gln Pro Ser Cys Lys Phe Gln Cys Thr Cys Arg Asp Gly Gln Ile Gly
Cys Val Pro Arg Cys Gln Leu Asp Val Leu Leu Pro Glu Pro Asn Cys
        35
                             40 -
Pro Ala Pro Arg Lys Val Glu Val Pro Gly Glu Cys Cys Glu Lys Trp
                        55
Ile Cys Gly
65
<210>
<211>
       135
<212>
       ADN
<213>
       séquence artificielle
<220>
<223>
       fragment de la protéine NOV
<220>
<221>
       CDS
                                                       ł
<222>
       (1)..(135)
<223>
<400> 7
tgc att gaa cag acc aca gag tgg aca gca tgc tcc aag agc tgt ggt
                                                                        48
Cys Ile Glu Gln Thr Thr Glu Trp Thr Ala Cys Ser Lys Ser Cys Gly
atg ggg ttc tcc acc cgg gtc acc aat agg aac cgt caa tgt gag atg.
                                                                        96
Met Gly Phe Ser Thr Arg Val Thr Asn Arg Asn Arg Gln Cys Glu Met
ctg aaa cag act cgg ctc tgc atg gtg cgg ccc tgt gaa
                                                                       135
Leu Lys Gln Thr Arg Leu Cys Met Val Arg Pro Cys Glu
                             40
                                                 45
```



<210> 8 <211> 45 <212> PRT <213> séquence artificielle <220> <223> fragment de la protéine NOV Cys Ile Glu Gln Thr Thr Glu Trp Thr Ala Cys Ser Lys Ser Cys Gly Met Gly Phe Ser Thr Arg Val Thr Asn Arg Asn Arg Gln Cys Glu Met 25 Leu Lys Gln Thr Arg Leu Cys Met Val Arg Pro Cys Glu <210> 9 <211> 225 <212> ADN <213> séquence artificielle <220> <223> fragment de la protéine NOV <220> <221> CDS <222> (1)..(225) <223> <400> 9 tgt ctc cgc acc aag aag tca ctc aaa gcc atc cac ctg cag ttc aag 48 Cys Leu Arg Thr Lys Lys Ser Leu Lys Ala Ile His Leu Gln Phe Lys aac tgc acc agc ctg cac acc tac aag ccc agg ttc tgt ggg gtc tgc 96 Asn Cys Thr Ser Leu His Thr Tyr Lys Pro Arg Phe Cys Gly Val Cys 25 agt gat ggc cgc tgc tgc act ccc cac aat acc aaa acc atc cag qca 144 Ser Asp Gly Arg Cys Cys Thr Pro His Asn Thr Lys Thr Ile Gln Ala gag ttt cag tgc tcc cca ggg caa ata gtc aag aag cca gtg atg gtc 192 Glu Phe Gln Cys Ser Pro Gly Gln Ile Val Lys Lys Pro Val Met Val 55 att ggg acc tgc acc tgt cac acc aac tgt cct 225 Ile Gly Thr Cys Thr Cys His Thr Asn Cys Pro 70 <210> 10 <211> 75 <212> PRT <213> séquence artificielle <220> <223> fragment de la protéine NOV



(facultatif)

#### BREVET D'INVENTION

#### CERTIFICAT D'UTILITÉ

Code de la propriété intellectuelle - Livre VI



#### **DÉPARTEMENT DES BREVETS**

26 bis, rue de Saint Pétersbourg 75800 Paris Cedex 08 Téléphone : 01 53 04 53 04 Télécopie : 01 42 94 86 54

N° D'ENREGISTREMENT NATIONAL

Vos références pour ce dossier

## DÉSIGNATION D'INVENTEUR(S) Page Nº .1./.1.

(Si le demandeur n'est pas l'inventeur ou l'unique inventeur)

Cet imprimé est à remplir lisiblement à l'encre noire

DB 113 W /250899

IFB 03 AW CNR GIOG

03/09506

TITRE DE L'INVENTION (200 caractères ou espaces maximum)

NOUVEL AGENT ANTI-ANGIOGENIQUE ET SON UTILISATION, NOTAMMENT DANS LE CADRE DU TRAITEMENT DES CANCERS

#### LE(S) DEMANDEUR(S):

CENTRE NATIONAL DE LA RECHERCHE SCIENTIFIQUE
3, rue Michel-Ange, F-75794 PARIS CEDEX 16, France, et
INSTITUT NATIONAL DE LA SANTE ET DE LA RECHERCHE MEDICALE (INSERM)
101, rue de Tolbiac, F-75654 PARIS CEDEX 16, France

DESIGNE(NT) EN TANT QU'INVENTEUR(S) : (Indiquez en haut à droite «Page N° 1/1» S'il y a plus de trois inventeurs, utilisez un formulaire identique et numérotez chaque page en indiquant le nombre total de pages).

		enales balle on mardanit is membre total ac balles).				
Nom		PLOUET				
Prénoms		Jean				
Adresse	Rue	94, rue de l'Amiral Mouchez				
	Code postal et ville	75014 PARIS				
Société d'appar	rtenance (facultatif)					
Nom		LAURENT-BEUBRY				
Prénoms		Maryyonne				
Adresse Rue		4bis, rue Gambetta				
	Code postal et ville	91300 MASSY				
Société d'appa	rtenance (facultatif)					
Nom		MARTINERIE-KRYCEVE				
Prénoms		Cécile				
Adresse	Rue	153, Chemin de la Hunière				
	Code postal et ville	91120 PALAISEAU				
Société d'appa	rtenance (facultatif)					
DATE ET SIGN DU (DES) DER OU DU MAND (Nom et quali	MANDEUR(S)	Paris, le 30 septembre 2003  Chantal, Catherine GROSSET-FOURNIER - Mandataire 422.5/PP112				